フルカラー生体断面画像からの特徴部位の自動抽出に関する検討

竹本智子^{*†}, 横田秀夫[†], 三島健稔^{*†}, 姫野 龍太郎[†], 牧野内 昭武[#]

* 埼玉大学大学院 理工学研究科 埼玉県さいたま市桜区下大久保255 e-mail: (satoko, mishima)@me.ics.saitama-u.ac.jp * 理化学研究所 情報環境室 埼玉県和光市広沢2-1 e-mail: (hyokota, himeno)@postman.riken.go.jp # 理化学研究所 もの作りV - CAD 埼玉県和光市広沢2-1 e-mail: akitake@postman.riken.go.jp

要旨

X線 CT や MRI による生体内断層画像列からの領域抽出手法は多く提案されてい るが、近年開発された 3D-ISM による生体内のフルカラーかつ大量な画像列に対応し た抽出手法は未だ確立されていない。そこで本研究では、リージョングローイング法 における恣意的な拡張条件や閾値をなくし、生体内カラー画像に対応可能な適応的領 域判別手法を提案した。さらに、領域判別結果を多段化することで連続断面間に生じ る予想外の変化に対してロバストな判別を可能にするアルゴリズムを提案した。これ により、従来は難しかった生体軟組織の連続自動抽出を行ったのでその結果を報告す る。

1. はじめに

本研究が目指すものは、限りなく実物に近い人体ディジタルモデルの構築である。 それは3次元可視化されているだけでなく、生体組織の力学的、生理学的挙動を示す モデルを指す。これが実現できれば、自由な視点から生体内を3次元的に観察できる だけでなく、医療現場においては予め治療や手術の事前シミュレーションが可能にな るなど、その有用性は計り知れない。

このようなモデルの構築には大別して3つの行程が必要である。まず生体内の3次 元情報を収集し、次にそれらに対し「何の組織がどこにあるのか」の情報を付加する (構造化)必要がある[1]。その後、各組織の力学的特性や生理学特性の付加を行うこ とで意図したようなモデルが実現する。各行程で多くの研究が進められているが、そ の主なものは生体内3次元情報の収集にX線CT(Computed Topography)やMRI (Magnetic Resonance Imaging)からの連続画像を利用している。しかし、それら の画像データは実物に近いディジタルモデルを構築出来るほどに解像度が十分であ るとは言えず、生体内組織の詳細な情報を収集することが難しい。

一方、近年開発された三次元内部構造顕微鏡(3D-ISM)[2-4]は、生体内を詳細に 撮影したフルカラー連続画像の入手を可能にした。これにより意図したモデルの実現 に大きく近づいたが、次に構造化において新たな問題が生じた。一般に、構造化には 画像から各組織の領域をセグメンテーション(抽出)する必要がある。しかし、その 難しさゆえにX線CTやMRIによる従来画像でも未だに様々な論議がなされている。 3D-ISM画像は従来画像と画像特徴が大きく異なることや、情報量が飛躍的に増加し たことでセグメンテーションがさらに困難になった。現在では高度な解剖学的知識を 持った人の手作業によるセグメンテーションが行われているが、全データが数千枚に 及ぶためその作業は困難で、一つの組織だけでも数週間を要しているのが現状である。

本研究は以上の背景に基づいて、生体内のディジタルモデル構築に必要な画像から の領域セグメンテーション手法を検討したものである。

2. 方法

画像からの領域抽出手法はこれまでに多く提案されている。そのうち、特に生体画 像からの領域抽出に多用されるリージョングローイング法[5-8]は、抽出結果がまとま った領域として与えられるため画像の大局的な構造を理解しやすいなど、構造が複雑 な生体画像にとっては有利な点が多い。この手法は「同一組織の領域内は色変化が少 ない」、「異種組織間では色特徴量に変化が生じる」ことを利用して、注目する組織の 領域(ROI: Region Of Interest)を抽出する。しかし、領域の判定に固定パラメー タや終了条件を必要とするため、情報が複雑になった生体フルカラー画像では有効な 結果を示さなかった。そこで本研究では、それらの恣意的なパラメータや条件を排除 し、状況に対して適応的に判別条件を変化することが出来る手法を提案した。以下か ら詳述する。

2.1. 色の取り扱い

カラー画像は各画素に色濃度値を持つ。それらの色濃度値を表現するための適切な 色空間の選択は、セグメンテーション結果にかかわる重要な決定事項である。色空間 とは、色を表現するための3つの成分を軸とする3次元の空間を指す。通常、コンピ ュータの内部で色は赤(Red)、緑(Green)、青(Blue)を3軸とするRGB 色空間で 表される。そして様々な色は各軸で設定した輝度を組み合わせることで表現する。こ の他にも、代表的なものとしてHSV 表色法、ULCS 表色系のL*U*V*モデルやL*a*b* モデル、線形変換モデルのYIQ モデルなどが挙げられる。セグメンテーションに適 した色空間の比較評価を行った研究[9-10]によると、セグメンテーションには色の配 置の均等性、凝集性、分離性が重要になる。これらは以下を意味する。

- ・ 均等性:人間が同じ距離と考える色間の距離は、同じ程度に離れている
- 凝集性:人間が同じ色と考える画素の集合は、色空間でよく凝集している
- ・分離性:人間が別の色と考える画素の集合は、色空間で分離している

[9-10]では先に述べた各色空間について、この3つの特徴の性能評価を行っている。 また同時に、画像の局所領域における色分布の比較を行い、どの色空間が画像中から 対象物の境界を正しく判別し、対象物を効率よくセグメンテーションできるかについ て検討している。それらの研究では、上記3つのすべてにおいて平均して高い評価を 得たのが HSV 色空間であると結論づけられている。そこで本研究ではセグメンテー ションの性能を高めるため、HSV 色空間で表現した画素値を用いた領域判別を行っ た。HSV 空間とは、色を色相(Hue)、色彩(Saturation)、明度(Value)の3軸 で表現したもので、それらの軸は図1のような空間を生成する。特定組織の領域を抽 出するためには、各画素が持つ色濃度値に注目し組織境界を判別するが、本研究では この HSV 空間で表現された画素値を用いて判別を実行する。



図 1 HSV 色空間

図 2 H,S による 2 点間濃度差の計算

また、領域判別の際には隣接画素間の画素値変化量に注目する必要がある。そのために画素間濃度差を計算する必要があるが、HSV 色空間は図1に示したように各軸の成分(h,s,v)が互いに等価ではなく特殊な形状の空間を生成している。そこで図2に示すようなH,Sによる極座標上の2点間距離を計算することで、色の特徴を損なわない濃度差計算の実現を提案した。具体的には、ある2点の画素 d_1, d_2 の画素値をそれぞれ $d_1 = (h_1, s_1, v_1), d_2 = (h_0, s_0, v_0)$ としたとき、画素 d_1, d_2 間の濃度差∂は以下の式(1)~(3)で定義した。

$$y_1 = (s_{d_1} \cos(2\pi h_{d_1}) - s_{d_2} \cos(2\pi h_{d_2}))^2$$
(1)

$$y_2 = (s_{d_1} \sin(2\pi h_{d_1}) - s_{d_2} \sin(2\pi h_{d_2}))^2$$
(2)

$$\partial(d_1, d_2) = \sqrt{y_1 + y_2} \tag{3}$$

2.2. 拡張リージョングローイング法

本研究で使用する画像は、上下に連続する断面の間隔が極小である。そのため連続 する断面間での画像間変化量も極小である。その特徴を利用し、従来リージョングロ ーイング法にあった固定パラメータや終了条件の撤廃を行う。最初に、断面 N での特 定組織領域の抽出には断面 N – 1 での抽出領域と同座標領域を仮領域と設定する。次 に領域判別を行い断面 N での正しい特定組織領域を抽出する。図 3 はその処理の概要 を示している。



図 3 拡張リージョングローイングの概要

具体的な処理は以下である。

- (a) 仮領域の境界に隣接する領域外画素すべてを、キュー(FIFO: First In First Out)
 を用いた一時データ配列 A に保管する。
- (b) 一時データ配列 A から 1 画素取り出し注目画素とする。その画素を中心とした局 所領域W のうち、現在までに仮領域内である画素の濃度特徴量、及び領域外の濃度 特徴量を求める。
- (c) 断面 N とその隣接断面間での局所的な濃度変化量を求める。この値と上記(b)で求めた 2 つの特徴量により領域判定基準を生成する。その結果、注目画素を仮領域内に取り込む(拡張)かどうか判定する。さらにその場合、注目画素の隣接画素のうち、現在までに未評価で仮領域外の画素は一時データ配列 A に保管する。一方、判定により仮領域外とする場合は、仮領域内の境界隣接画素を一時データ配列 B に保管する。一時データ配列 B から取り出した画素には領域を削る(縮退)の判定を行う。
- (d) 一時データ配列 A、B 両方が空になるまで領域の拡張、縮退を繰り返すことで、 断面 N での抽出領域を決定する。

2.3. 状態遷移アルゴリズム

2.2 で提案した拡張リージョングローイング法は、隣接する上下断面間での濃度変 化量が極小であることが前提となる。しかし実際の生体画像では、生体活動などの影響により予想出来ない突然の変化(ノイズ)が生じることがある。また、組織構造の 急変にも対応しなくてはならない。

そこで本研究では、拡張リージョングローイングで領域判別を行った後、連続断面 間で特に変化が特に大きかった画素(例外値)を検出する。さらに、判別結果は一般 に行われる2値判別ではなく、中間状態2つを含む4段階の状態値設定へと拡張する。 これにより、関心領域中央部での他組織領域への変化(構造変化)の検出や、領域判 別エラーの拡大の抑制が期待できる。例外値の検出には、ロバスト統計の手法[11]を 利用する。これは2枚の画像中である領域がほぼ同じであると仮定した場合、それら の画像間濃度差の標準偏差をあらかじめ推定することで、実際には例外的な値を示した画素を検出できる手法である。例えば、例外値検出を行いたい領域の画素数を*M*とし、その領域内で*i*番目の画素の濃度値を*x_i、連続する画像での<i>i*番目の画素の濃度値を*y_i*としたとき、

$$d^2 = med \left| x_i - y_i \right|^2 \tag{4}$$

を計算する。これは、 $|x_i - y_i|^2$ で計算される値のメディアン値を求めることに相当する。次に、

$$\overline{\sigma} = 1.4826 \left(1 + \frac{5}{M-1} \right) \sqrt{d^2}$$
 (5)

から画像間濃度差の標準偏差の推定値を計算する。この標準偏差の推定値から、 2.5σ よりも大きな誤差 $|x_i - y_i|$ を持つ画素を例外値として判定することができる。この例 外値検出処理を組み込んだ全体の処理の流れを図4に示す。



図 4 状態遷移アルゴリズムの流れ

図4はA~Dの4つの状態値が判別処理中で遷移する様子を示している。Aは対象 領域の内側状態、Dは対象領域の外側状態、BとCはそれぞれ中間状態を意味する。 また、開始状態とは仮領域を設定した段階を意味し、各画素は前断面での状態値を引 き継ぐ。つまり、前断面での状態値が判別結果に大きく関わり、状況に応じた適応的 判別を実現できる。以上の処理をすべての連続画像で実行することで連続自動抽出を 行った。

3. 実験

実験には 3D-ISM からのマウスの連続断面画像を使用する。撮影した断面画像のサ イズは 640 × 480 pixel(212 µ m/pix)、マウス全体では 3033 枚(30 µ m/枚)に及ぶ が、そのうち胃が撮影されている 150 枚、画像サイズ 320 × 240 pixel(212 µ m/pix) を使用し胃領域の抽出を目的とした。巻頭カラー図を参照して頂きたい。1 段目の図 はマウス断面画像と、本実験で関心組織とした胃の領域の拡大図である。2段目の図 はそれから連続50枚目の画像を示している。拡大図に注目したとき、領域の下半分 では他組織との境界が判別しにくいことがわかる。また、2つの拡大図を比較すると、 50枚の間に領域が変化していることも確認できる。このような連続断面画像に対し、 提案手法による領域抽出を行った結果が巻頭カラー下段の図である。ここでは5枚お きの結果を表示している。また、その抽出正解率を以下の図5に示す。



図 5 提案手法の抽出正解率

図5 では、約45 枚目付近までは95%近い正解率をあげている。しかし、45 枚目 以降では急激に正解率が低下した。実際には抽出領域の外側を領域内として抽出する 「あふれ」がおこっていた。このように現状では枚数の限界があるものの、従来手法 では難しかった複雑な色変化が存在する連続断面画像からの自動抽出に対し、提案手 法は有効であることが示された。

4. まとめ

本稿では、生体フルカラー連続断面画像から対象とする組織の領域を抽出する手法 を検討した。複雑な内部情報の画像から領域判別を行うとき、判別に恣意的なパラメ ータや条件を利用した手法は有効な結果を示さない。そこで我々は従来のリージョン グローイング法を拡張し、従来法にあった固定パラメータや条件を撤廃した。

さらに、実画像では考慮しなくてはならないノイズへの対応のため、例外値の検出 を行いその判別結果を通常の2値化から4状態とした。これは、各画素で状況に応じ て判別の厳しさを変化させられる抽出アルゴリズムであった。

今後は、拡張リージョングローイングの領域判別部に多変量解析手法を適用することを考えている。これにより、判別結果の信頼性の向上を図り、抽出可能枚数を増加 させていきたい。

参考文献

- [1] 鳥脇純一郎:3次元ディジタル画像処理: 昭晃堂, 2002, pp.22-27
- [2] 横田秀夫,中村佐紀子,川口龍平 他,"3次元内部構造顕微鏡による生体の侵襲 的イメージング," Med Imag Tech 20(6), pp.660-665, 2002
- [3] 横田秀夫, 工藤謙一, 樋口俊郎他, "発現遺伝子観察用3次元内部構造顕微鏡の 開発," 医用電子と生体工学, 36(3), pp.244-251, 1998
- [4] 林賢知 ,樋口俊郎 ,青木勇 他 , "3次元内部構造顕微鏡の開発 ,"精密工学学会誌 , 61(1), pp.100-106, 1995
- [5] Alain Tremeau et.al.,: A Region Growing and Merging Algorithm to color segmentation, Pattern Recognition, Vol.30, No.7, oo.1191-1203, 1997
- [6] 佐野耕一,及川道雄,磯部義明,"リージョングローイング法による軟部組織の 抽出と3次元表示," Med Imag Tech, 13(3), 1995
- [7] 江 弘 他, "領域情報とエッジ情報を併用したセグメンテーションの一手法," 信学論 D-, **J74-2-D**- (12), pp.1651-1660, 1991
- [8] 関口博之,佐野耕一,横山哲夫,"リージョングローイングをベースにした対話型3次元領域抽出法,"信学論 D-, **J76-D-** (2), pp.350-358,
- [9] 高橋圭子,松浦正樹,杉山岳弘,阿部圭一,"人間による画像の色分割結果と領域 分割結果に基づいた色空間の比較評価,"信学論 D-,84-7, pp.1378-1388, 2001
- [10]高橋圭子, 阿部圭一, "ISODATA クラスタリング法を用いたカラー画像の領域分割,"信学論 D-, 82-4, pp.751-762, 1999
- [11] 栗田多喜夫, "ロバスト統計に基づく画像解析,"信学誌, **76**(23), pp.1293-1297, 1993